(54) HYBRID PROMOTER

(19) JP (43) 3.7 (11) 3-155791 (A)

(21) Appl. No. 64-295818 (22) 14.11.1989 (71) GREEN CROSS CORP: THE (72) YUTAKA ISHIDA(4)

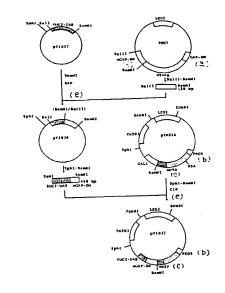
(51) Int. Cl⁵. C12N15/81,C12N15/14,C12P21/02//(C12P21/02,C12R1/865)

NEW MATERIAL: A hybrid promoter having a structure prepared by coupling a fragment containing an UAS of SUS2 promoter to a fragment containing TATA box site of GAP-DH promoter.

USE: Used for production of human serum albumin(HSA) by the recombinant

DNA technique.

PREPARATION: For example, a SUS2 promoter-containing plasmid PY1011 is prepared from SUS2 gene and the resultant plasmid PY1011 is ligated to plasmid pUC18 to obtain plasmid pY1027. The obtained plasmid pY1027 is then coupled to a fragment prepared by digestion of plasmid PGG7 containing TATA box site of GAP-DH promoter using BglII-BamHI restriction enzyme and, furthermore, ligated to a fragment prepared by digestion of plasmid pYN026 using SphI-BamHI restriction enzyme, thus obtaining the objective hybrid promoter.



(a): GAP-DH terminator, (b): PHO5 terminator, (c): mHSA signal, (d): mGAP-DH promoter, (e): ligation

(54) NOVEL SUBSTANCE DC114-C

(19) JP (43) 3.7.1991 (11) 3-155793 (A)

(21) Appl. No. 64-294290 (22) 13.11.1989

(71) KYOWA HAKKO KOGYO CO LTD (72) HIROFUMI NAKANO(5)

(51) Int. Cl⁵. C12P17/16,C07D493/04

NEW MATERIAL: A compound of the formula. The compound has the following physicochemical properties. Mol.wt.: 550; molecular formula: C29H26O11; mass spectrometry: SIMS 551 (M+1)⁺; specific rotation $(\alpha)^{55} = -66^{\circ}\text{C}$ (c=0.11, acetone); solubility: soluble in chloroform, dimethyl sulfoxide, methanol, ethyl acetate and acetone; slightly soluble in water and n-hexane; coloring reaction: positive for an iodo reagent; a brown acidic substance, etc.

USE: An antimicrobial or antitumor agent. DC114-C-producing

ſe.g.; strain bacterium PREPARATION: A Streptomyces SP-00-114 (FERM BP-2641)) belonging to the Streptomyces genus is cultured.

(54) MOUSE-INTERLEUKIN-6 RECEPTOR PROTEIN

(43) 3.7.1991 (19) JP (11) 3-155795 (A)

(21) Appl. No. 64-292230 (22) 13.11.1989

(71) CHUZO KISHIMOTO (72) CHUZO KISHIMOTO

(51) Int. Cl⁵. C12P21/02,C07K13/00,C12N1/21,C12N5/10, C12N15/12//A61K37/02(C12P21/02,C12R1/19)

NEW MATERIAL: Mouse interleukin-6 receptor protein capable of specifically combining with mouse interleukin-6.

EXAMPLE: Mouse interleukin-6 receptor protein having an amino acid sequence of the formula.

USE: A therapeutic drug, diagnostic drug, etc., for immuno-deficient diseases.

PREPARATION: A DNA sequence coding the mouse interleukin-6 receptor protein is manifested in a microorganism or cultured cell to produce the mouse interleukin-6 receptor protein, the microorganism or cultured cell being transformed with a duplicable manifestation vector capable of manifesting the DNA sequence coding the mouse interleukin-6 receptor protein in the recombined microorganism or cultured cell.

Met Leu Thr Val Gly Cys Thr Leu Leu Val eu Leu Ala Ala Pro Ala Val Ala Leu Gly Ser Cys Arg Ala Leu Glu Val so Gly The Val The Ser Leu Pro Gly Ala The Val The Leu ile Cys Pro Gly Lys Glu Ala Ala Gly Asn Val Thr Ile His Trp Val Tyr Ser Gly Ser Glo Asn Arg Glu Trp Gly Ser Leu Ala Phe Gly Leu Leu Leu Cys Vai Phe lie lie Leu Arg Leu Lys Gin Lys Trp Lys Ser Glu Ala Glu Lys Glu Ser Lys The The Ser Pro Pro Pro Pro Pro Tyr Ser Leu Gly Pro Leu Lys Pro Thr Phe Leu Leu Val Pro Leu Leu Thr Pro His Ser Ser Gly Ser Asp Asn Thr Val Asn His Ser Cys Leu Gly Val Arg Asp Ala Gln Ser Pro Tyr Asp Asn Ser Asn Arg Asp Tyr Leu Phe Pro Arg

® 日本国特許庁(JP)

① 特許出願公開

⑫ 公 開 特 許 公 報 (A) 平3-155795

®Int. Cl. ⁵	識別記号	庁内整理番号	④公開	平成3年(1991)7月3日
C 12 P 21/02 C 07 K 13/00	C ZNA	8214-4B 8619-4H		
C 12 N 1/21	ZNA	6807-4B		,
5/10 15/12		0015 40		
// A 61 K 37/02 (C 12 P 21/02	ABB	8615-4C		
C 12 R 1:19)		8717-4B C 12 N	15/00	А В
		6807-4B	5/00	
•		審査請求	未請求	青求項の数 8 (全10頁)

②特 願 平1-292230

22出 願 平1(1989)11月13日

特許法第30条第1項適用 平成1年10月20日、日本免疫学会発行の「日本免疫学会記録第19巻」に発表

⑩発 明 者 岸 本 忠 三 大阪府富田林市中野町3丁目5番31号 ⑪出 願 人 岸 本 忠 三 大阪府富田林市中野町3丁目5番31号

砚代 理 人 弁理士 青木 朗 外4名

明知音

1. 発明の名称

マウス・インターロイキン- 6 レセプター 蛋白質

2. 特許請求の範囲

1. マウス・インターロイキンー 6 (以下 I L - 6 という。) と特異的に結合しうるマウス・インターロイキンー 6 レセプター蛋白質。

2. 下記の式(I):

(N末端)

Met Leu Thr Val Gly Cys Thr Leu Leu Val Ala Leu Leu Ala Ala Pro Ala Val Ala Leu Val Leu Gly Ser Cys Arg Ala Leu Glu Val Ala Asn Gly Thr Val Thr Ser Leu Pro Gly Ala Thr Val Thr Leu Ile Cys Pro Gly Lys Glu Ala Ala Gly Asn Val Thr Ile His Trp Val Tyr Ser Gly Ser Gln Asn Arg Glu Trp Thr Thr Thr Gly Asn Thr Leu Val Leu Arg Asp Val Gln Leu Ser Asp Thr Gly Asp Tyr Leu Cys Ser Leu Asn Asp His Leu Val Gly

Thr Val Pro Leu Leu Val Asp Val Pro Pro Glu Glu Pro Lys Leu Ser Cys Phe Arg Lys Asn Pro Leu Val Asn Ala Ile Cys Glu Trp Arg Pro Ser Ser Thr Pro Ser Pro Thr Thr Lys Ala Val Leu Phe Ala Lys Lys Ile Asn Thr Thr Asn Gly Lys Ser Asp Phe Gln Val Pro Cys Gln Tyr Ser Gln Gln Leu Lys Ser Phe Ser Cys Gln Val Glu Ile Leu Glu Gly Asp Lys Val Tyr His Ile Val Ser Leu Cys Val Ala Asn Ser Val Gly Ser Lys Ser Ser His Asn Glu Ala Phe His Ser Leu Lys Met Val Gln Pro Asp Pro Pro Ala Asn Leu Val Val Ser Ala ile Pro Gly Arg Pro Arg Trp Leu Lys Val Ser Trp Gln His Pro Glu Thr Trp Asp Pro Ser Tyr Tyr Leu Leu Gln Phe Gln Leu Arg Tyr Arg Pro Val Trp Ser Lys Glu Phe Thr Val Leu Leu Leu Pro Val Ala Gln Tyr Gln Cys Val Ile His Asp Ala Leu Arg Gly Val Lys His Val Val Gln Val Arg Gly Lys Glu Glu Leu Asp Leu Gly Gla Trp Ser Glu Trp Ser Pro Glu Val Thr Gly Thr Pro Trp lie Ala Glu Pro Arg Thr Thr Pro Ala Gly lie Leu Trp Asn Pro Thr Gln Val Ser Val Glu Asp Ser Ala Asn His Glu Asp Gln Tyr Glu Ser Ser Thr Glu Ala Thr Ser Val Leu Ala Pro Val Gln Glu Ser Ser Ser Met Ser Leu Pro Thr Phe Leu Val Ala Gly Gly Ser Leu Ala Phe Gly Leu Leu Cys Val Phe Ile Ile Leu Arg Leu Lys Gln Lys Trp Lys Ser Glu Ala Glu Lys Glu Ser Lys Thr Thr Ser Pro Pro Pro Pro Pro Tyr Ser Leu Gly Pro Leu Lys Pro Thr Phe Leu Leu Val Pro Leu Leu Thr Pro His Ser Ser Gly Ser Asp Asn Thr Val Asn His Ser Cys Leu Gly Val Arg Asp Ala Gln Ser Pro Tyr Asp Asn Ser Asn Arg Asp Tyr Leu Phe Pro Arg

(ただし、式中Ala はアラニン、Arg はアルギニン、Asn はアスパラギン、Asp はアスパラギン酸、Cys はシステイン、Gln はグルタミン、Glu はグ

(C末端)

マウスIL-6レセプター蛋白質をコードするDNA。

4. 請求項2に記載のいずれかのアミノ酸配列 を有するマウス I L - 6 レセプター蛋白質をコー ドする D N A。

5. 下記の式(Ⅱ):

(5-)

ATG CTG ACC GTC GGC TGC ACG CTG TTG GTC GCC CTG CTG GCC GCG CCC GCG GTC GCG CTG GTC CTC GGG AGC TGC CGC GCG CTG GAG GTG GCA AAT GGC ACA GTG ACA AGC CTG CCA GGG GCC ACC GTT ACC CTG ATT TGC CCC GGG AAG GAA GCA GCA GGC AAT GTT ACC ATT CAC TGG GTG TAC TCT GGC TCA CAA AAC AGA GAA TGG ACT ACC ACA GGA AAC ACA CTG GTT CTG AGG GAC GTG CAG CTC AGC GAC ACT GGG GAC TAT TTA TGC TCC CTG AAT GAT CAC CTG GTG GGG ACT GTG CCC TTG CTG GTG GAT GTT CCC CCA GAG GAG CCC AAG CTC TCC TGC TTC CGG AAG AAC CCC CTT GTC AAC GCC ATC TGT GAG TGG CGT CCG AGC AGC ACC CCC TCT CCA ACC ACG AAG GCT GTG CTG TTT GCA AAG AAA ATC AAC ACC ACC AAC GGG AAG AGT GAC TTC CAG GTG CCC TGC CAG TAT TCT CAG CAG CTG AAA AGC TTC TCC TGC CAG GTG GAG ATC CTG GAG GGT GAC AAA GTA TAC CAC ATA GTG TCA CTG TGC GTT GCA AAC AGT GTG GGA AGC AAG TCC AGC CAC AAC GAA GCG TTT CAC AGC TTA AAA ATG GTG CAG CCG GAT CCA CCT GCC AAC CTT GTG GTA TCA GCC ATA CCT GGA AGG CCG CGC TGG CTC AAA GTC AGC TGG CAG CAC CCT GAG ACC TGG GAC CCG AGT TAC TAC TTG CTG CAG TTC CAG CTT CGA TAC CGA CCT GTA TGG TCA AAG GAG TTC ACG GTG TTG CTG CTC CCG GTG GCC CAG TAC CAA TGC GTC ATC CAT GAT GCC TTG CGA GGA GTG AAG CAC GTG GTC CAG GTC CGT GGG AAG GAG GAG CTT GAC CTT GGC CAG TGG AGT GAA TGG TCC CCA GAG GTC ACG GGC ACT CCT TGG ATA GCA GAG CCC AGG ACC ACC CCG GCA GGA ATC CTC TGG AAC CCC ACA CAG GTC TCT GTT GAA GAC TCT GCC AAC CAC GAG GAT CAG TAC GAA AGT TET ACA GAA GCA ACG AGT GTC CTC GCC CCA GTG CAA GAA TCC TCG TCC ATG TCC CTG CCC ACA TTC CTG GTA GCT GGA GGA AGC TTG GCG TTT GGG TTG CTT CTC TGT GTC TTC ATC ATC CTG AGA CTC AAG CAG AAA
TGG AAG TCA GAG GCT GAG AAG GAA AGC AAG
ACG ACC TCT CCT CCA CCC CCA CCG TAT TCC
TTG GGC CCA CTG AAG CCG ACC TTC CTT CTG
GTT CCT CTC CTC ACC CCA CAC AGC TCT GGG
TCT GAC AAT ACC GTA AAC CAC AGC TGC CTG
GGT GTC AGG GAC GCA CAG AGC CCT TAT GAC
AAC AGC AAC AGA GAC TAC TTA TTC CCC AGA
(3-)

(ただしAはアデニン、Gはグアニン、Cはシトシン、Tはチミンを有するヌクレオシドを示す)で表される請求項3に記載のDNA。

- 6. 前記DNAを発現させうるDNA配列と読取り可能に結合していることを特徴とする請求項3に記載のDNA。
- 7. 組換徵生物または培養細胞中で請求項3に 記載のDNA配列を発現しうる複製可能な発現ベ クター。
- 8. 請求項7に記載の発現ベクターにより形質 転換された微生物または培養細胞においてマウス

解明されてきた。まず I L - 6 と特異的に結合する細胞膜上の I L - 6 レセプターが、田賀らにより解析され、各細胞上の数、 I L - 6 との結合定数が報告された(J. Exp. Med., 196, p967, 1987年参照)。次にヒト I L - 6 レセプターのcDNAが山崎らにより単離され、1 次構造が決定された(Science, 241, p825, 1988年参照)。さらに I L - 6 のシグナル伝達に関与する細胞膜上の別の蛋白質が田賀らにより発見された(Cell, 58, p573, 1989年参照)。

生体内で多様な生理活性を強く発揮する I L ー 6 の作用を人為的に調節することは、各種疾患の新しい治療のメカニズムとして期待されている。例えば、I L ー 6 の骨髄細胞増殖効果や血小板増加効果は放射線等の癌治療の効果を高める。一方、各種自己免疫疾患では、その病因と考えられるI L ー 6 作用の抑制が、症状の軽減につながる。前者の目的には、遺伝子工学的に作成されたヒトI L ー 6 が、後者の目的には、遺伝子工学的に作成された細胞表層より離脱した(可溶性)ヒト

IL-6レセプター蛋白質をコードするDNA配列を発現させ、該蛋白質を生産させることを特徴とするマウスIL-6レセプター蛋白質の生産方法。

3. 発明の詳細な説明

〔産業上の利用分野〕

本発明はマウスILー6レセプター蛋白質および該蛋白質をコードするDNA、さらには該蛋白質を遺伝子工学的に生産するための手段および方法に関するものである。

〔従来の技術〕

IL-6は、免疫、造血、炎症という生体防御系において重要な役割を果たしていることを特徴とする、生体の増殖分化に広く関与するタンパク質である。一方、IL-6の異常産生が種々の自己免疫疾患の病因因子である可能性が報告されている(岸本、平野、Ann. Rev. Immunol... 6. p485, 1988年参照)。

IL-6のシグナル伝達経路は、以下のように

IL-6レセプターやヒトIL-6に対する中和 抗体が考えられるが、さらに他の合成物質や天然 物質にもIL-6の作用を調節する物質の存在が 期待される。

〔発明が解決しようとする課題〕

従って、本発明はマウスIL-6レセプター及びそれをコードするDNA並びに該DNAを用いる該レセプターの製造方法を提供しようとするものである。

〔課題を解決するための手段〕

上記の目的を達成するために、本発明者は、 「Lー6レセプターについて鋭意研究を行った結果、マウス「Lー6レセプターをコードするDN A配列を明らかにし、この知見をもとに遺伝子工 学的に「Lー6レセプターを生産する手段および 方法を完成した。

すなわち本発明は、マウス「Lー6と特異的に 結合するマウス「Lー6レセプター;マウス「L ー6レセプターをコードするDNA配列:組換微 生物または培養細胞中で前記DNA配列を発現し 得る複製可能な発現ベクター;前記発現ベクター により形質転換された微生物または培養細胞;お よび前記微生物または培養細胞においてマウス

Thr Val Pro Leu Leu Val Asp Val Pro Pro Glu Glu Pro Lys Leu Ser Cys Phe Arg Lys Asn Pro Leu Val Asn Ala Ile Cys Glu Trp Arg Pro Ser Ser Thr Pro Ser Pro Thr Thr Lys Ala Val Leu Phe Ala Lys Lys Ile Asn Thr Thr Asn Gly Lys Ser Asp Phe Gln Val Pro Cys Gln Tyr Ser Gln Gln Leu Lys Ser Phe Ser Cys Gin Val Glu Ile Leu Glu Gly Asp Lys Val Tyr His Ile Val Ser Leu Cys Val Ala Asn Ser Val Gly Ser Lys Ser Ser His Asn Glu Ala Phe His Ser Leu Lys Met Val Gin Pro Asp Pro Pro Ala Asn Leu Val Val Ser Ala Ile Pro Gly Arg Pro Arg Trp Leu Lys Val Ser Trp Gln His Pro Glu Thr Trp Asp Pro Ser Tyr Tyr Leu Leu Gln Phe Gln Leu Arg Tyr Arg Pro Val Trp Ser Lys Glu Phe Thr Val Leu Leu Pro Val Ala Gln Tyr Gln Cys Val Ile His Asp Ala Leu Arg Gly Val Lys His Val Val Gln Val Arg Gly Lys Glu Glu Leu Asp Leu Gly Gln Trp

ILー6レセプターをコードするDNA配列を発現させることを特徴とするマウスILー6レセプターの生産方法、を提供するもであり、以下詳細に説明する。

(発明の具体的な説明)

1. マウス [L - 6 レセプター

マウス I L - 6 レセプターは、マウス由来の細胞膜上に存在し、マウス I L - 6 と特異的に結合するタンパク質である。詳しくは次の式(I)

 Met
 Leu
 Thr
 Val
 Gly
 Cys
 Thr
 Leu
 Leu
 Val

 Ala
 Leu
 Leu
 Ala
 Ala
 Pro
 Ala
 Val
 Ala
 Leu
 Cya

 Val
 Leu
 Gly
 Ser
 Cys
 Arg
 Ala
 Leu
 Gly
 Val

 Ala
 Asn
 Gly
 Thr
 Val
 Thr
 Ser
 Leu
 Pro
 Gly
 Lys

 Glu
 Ala
 Ala
 Gly
 Asn
 Val
 Thr
 Ile
 His
 Trp

 Val
 Tyr
 Ser
 Gly
 Asn
 Thr
 Leu
 Val
 Trp

 Thr
 Thr
 Gly
 Asn
 Thr
 Leu
 Val
 Leu
 Asp
 Tyr

 Leu
 Cys
 Ser
 Leu
 Asn
 Asp
 His
 Leu
 Val
 Gly

Ser Glu Trp Ser Pro Glu Val Thr Gly Thr Pro Trp lie Ala Glu Pro Arg Thr Thr Pro Ala Gly Ile Leu Trp Asn Pro Thr Gln Val Ser Val Glu Asp Ser Ala Asn His Glu Asp Gln Tyr Glu Ser Ser Thr Glu Ala Thr Ser Val Leu Ala Pro Val Gin Glu Ser Ser Ser Met Ser Leu Pro Thr Phe Leu Val Ala Gly Gly Ser Leu Ala Phe Gly Leu Leu Cys Val Phe Ile Ile Leu Arg Leu Lys Gln Lys Trp Lys Ser Glu Ala Glu Lys Glu Ser Lys Thr Thr Ser Pro Pro Pro Pro Pro Tyr Ser Leu Gly Pro Leu Lys Pro Thr Phe Leu Leu Val Pro Leu Leu Thr Pro His Ser Ser Gly Ser Asp Asn Thr Val Asn His Ser Cys Leu Gly Val Arg Asp Ala Gln Ser Pro Tyr Asp Asn Ser Asn Arg Asp Tyr Leu Phe Pro Arg

(C末端).

(ただし、式中Ala はアラニン、Arg はアルギニン、Asn はアスパラギン、Asp はアスパラギン酸、 Cys はシステイン、Gln はグルタミン、Glu はグ

特別平3-155795 (5)

ルタミン酸、Gly はグリシン、His はヒスチジン、 lle はイソロイシン、Leu はロイシン、Lys はり ジン、Met はメチオニン、Phe はフェニルアラニ ン、Pro はプロリン、Ser はセリン、Thr はトレ オニン、Trp はトリプトファン、Tyr はチロシン、 そしてVal はバリン残基を示す。)で表されるア ミノ酸配列を有するものである。本発明では前記 アミノ酸配列を有する蛋白質の他、前記アミノ酸 配列中のIL-6との特異的な結合に寄与する部 分を含有する蛋白質またはポリペプチドであれば 良い。すなわち前記アミノ酸配列中の1個または 複数個のアミノ酸残基が他のアミノ酸残基により 置換されているかまたは欠失もしくは付加されて いるアミノ酸配列を有し、かつマウスIL-6と 特異的に結合する能力を保持している蛋白質また はポリペプチドはすべて本発明のマウスIL- 6 レセプターの範囲に含まれる。例えば、このよう な蛋白質として、前記アミノ酸配列中の I L - 6 との結合に寄与するアミノ酸配列および/または アミノ酸残基部分以外のアミノ酸配列および/ま

たはアミノ酸残基が置換、欠損、挿入等により変化したもの、さらには前記アミノ酸配列のN末端側および/またはC末端側にアミノ酸配列および/またはアミノ酸残基が追加された蛋白質、あるいは例えばヒト成長ホルモン等の他の蛋白質等が融合したものであっても良い。

式(I)で示されるアミノ酸配列は 460 アミノ酸残基からなり、N末端側から第2番目に位置するロイシンから第19番目に位置するアラニンにかけてと、第358番目に位置するセリンから第385番目に位置するロイシンにかけての部分に疎水性アミノ酸残基が位置している、この2つの疎水性領域は、前者がシグナルペプチド領域、後者が膜貫通領域であると考えられる。

2. DNA配列

生体内で産生されるマウス I L - 6 レセプター をコードする D N A 配列は、詳しくは次の式(II) により示される。

(5-)

ATG CTG ACC GTC GGC TGC ACG CTG TTG GTC GCC CTG CTG GCC GCG CCC GCG GTC GCG CTG GTC CTC GGG AGC TGC CGC GCG CTG GAG GTG GCA AAT GGC ACA GTG ACA AGC CTG CCA GGG GCC ACC GTT ACC CTG ATT TGC CCC GGG AAG GAA GCA GCA GGC AAT GTT ACC ATT CAC TGG GTG TAC TCT GGC TCA CAA AAC AGA GAA TGG ACT ACC ACA GGA AAC ACA CTG GTT CTG AGG GAC GTG CAG CTC AGC GAC ACT GGG GAC TAT TTA TGC TCC CTG AAT GAT CAC CTG GTG GGG ACT GTG CCC TTG CTG GTG GAT GTT CCC CCA GAG GAG CCC AAG ETC TCC TGC TTC CGG AAG AAC CCC CTT GTC AAC GCC ATC TGT GAG TGG CGT CCG AGC AGC ACC CCC TCT CCA ACC ACG AAG GCT GTG CTG TTT GCA AAG AAA ATC AAC ACC ACC AAC GGG AAG AGT GAC TTC CAG GTG CCC TGC CAG TAT TCT CAG CAG CTG AAA AGC TTC TCC TGC CAG GTG GAG ATC CTG GAG GGT GAC AAA GTA TAC CAC ATA GTG TCA CTG TGC GTT GCA AAC AGT GTG GGA AGC AAG TCC AGC CAC AAC GAA GCG TTT CAC AGC TTA AAA ATG GTG CAG CCG GAT CCA CCT GCC AAC CTT GTG GTA TCA GCC ATA CCT GGA AGG CCG CGC TGG CTC AAA GTC AGC TGG CAG CAC CCT GAG ACC TGG GAC CCG AGT TAC TAC TTG CTG CAG TTC CAG CTT CGA TAC CGA CCT GTA TGG TCA AAG GAG TTC ACG GTG TTG CTG CTC CCG GTG GCC CAG TAC CAA TGC GTC ATC CAT GAT GCC TTG CGA GGA GTG AAG CAC GTG GTC CAG GTC CGT GGG AAG GAG CTT GAC CTT GGC CAG TGG AGT GAA TGG TCC CCA GAG GTC ACG GGC ACT CCT TGG ATA GCA GAG CCC AGG ACC ACC CCG GCA GGA ATC CTC TGG AAC CCC ACA CAG GTC TCT GTT GAA GAC TCT GCC AAC CAC GAG GAT CAG TAC GAA AGT TCT ACA GAA GCA ACG AGT GTC CTC GCC CCA GTG CAA GAA TCC TCG TCC ATG TCC CTG CCC ACA TTC CTG GTA GCT GGA GGA AGC TTG GCG TTT GGG TTG CTT CTC TGT GTC TTC ATC ATC CTG AGA CTC AAG CAG AAA

特閒平3-155795 (6)

TGG AAG TCA GAG GCT GAG AAG GAA AGC AAG

ACG ACC TCT CCT CCA CCC CCA CCG TAT TCC

TTG GGC CCA CTG AAG CCG ACC TTC CTT CTG

GTT CCT CTC CTC ACC CCA CAC AGC TCT GGG

TCT GAC AAT ACC GTA AAC CAC AGC TGC CTG

GGT GTC AGG GAC GCA CAG AGC CCT TAT GAC

AAC AGC AAC AGA GAC TAC TTA TTC CCC AGA

(3-)

で表されるDNA配列を有するものである。本発明のDNA配列は、(II)のDNA配列の他、このDNA配列中の1個または複数であるのである。本発いが他のヌクレオンドにより置換されているDNA配列を有し、かつマウスILー6と特異的に結合する能力を有する蛋白質をコードしているDNA配列をも含有する。例えば、前記1において記載した種々のアミノ酸配列を有する蛋白質をコードするDNA配列があげられる。

これらのDNA配列は、例えはBALB/c 等のマ ウスの例えば脾臓細胞から、公知な方法で抽出し た種々のメッセンジャーRNAより、本発明により提供される式(II)DNA配列をもとに作製したプローブ等を用いて目的とするメッセンジャーRNAを抽出し、これをもとに作製しても良いし、また例えば一部あるいは全部を本発明をもとに化学的に合成しても良い。

3. 発現ベクター

ベクターが例示できる。

DNA配列を発現させるためのDNA配列の中でも、プロモーター系は重要であり、しかも選定した宿主との関係において適宜選定する必要モーター系としては、乳糖プロモーター系、ののとしては、乳糖プロモーター系が例示できる。宿主としては、乳糖プロモーター系が例示できる。宿主としては、SV40プロモーター系、アデノウィルスプロモーター系が例示できる。

4. 宿主

本発明では、特別の制限なしに通常の遺伝子工学的に蛋白質を生産するために用いられる微生物または培養細胞が使用できる。微生物としては、K-12・W-3110等の大腸菌類、枯草菌類、酵母等を例示できる。培養細胞としては、COS細胞(猿の腎臓繊維芽細胞)、CHO細胞(チャイニーズハムスターの卵母細胞)等が例示できる。 5. 形質転換された宿主を用いたマウスIL-6

レセプターの生産

前記3で説明したベクターにより形質転換された前記4で説明された様な宿主を培養し、ベクターDNA中のマウスILー6レセプターをコードするDNA配列を発現させることでマウスILー6レセプターを生産することができる。これはマウスILー6レセプターをコードするDNA配列と結合した該DNA配列を発現させ得るDNA配列中のプロモーター系の活性化により実現される。

〔実施例〕

以下本発明をさらに詳細に説明するために実施 例を示すが、本発明はこれら実施例に限定される ものではない。

実施例1. マウスIL- 6 レセプターcDNAの単離 一連の遺伝子組み換え操作方法(m-RNAの抽出、 DNAの制限酵素による切断等) は、マニアティ スらの方法(Molecular Cloning, Cold Spring Harbor Laboratory 1982年参照)、ハーウィンら の方法(DNAcloning, a Practical Approach vol. 1, p49, IRL, Oxford, 1985 年参照) を参照に行った。

まず、マウス・ミエローマ細胞株P3U1 (AT CC CRL 1957) からmRNAを抽出し、ラムダファージ gt10 (アマーシャム) を用いてcDNA ライブラリー を作製した。次にpBSF2R, 236 (K. Yamasakiら、 Science, 241, p825, 1988年参照) のインサート cDNAのFspl-Banl 断片をプローブとして用い、 7.3×10⁵ クローンを以下の条件でスクリーニン グした。プラークをブロットするフィルターには ナイロンフィルターであるジーンスクリーンプラ ス(NEN社)を用いた、ハイブリーダイゼーション tt, 1 %SDS, 1M NaC ℓ, 0.05M Tris HCℓ (pH 7.5) · 5×デンハルト溶液、 200×/ルサケ精 子DNA存在下で、65℃で16時間行った。その後、 2×SSC, 1% SDSで、60℃にてフィルターを洗っ て非特異的にフィルターに結合したプローブを分 離させ、乾燥後、オートラジオグラフィーを行っ た。

なお、前記プラスミドpBSF2R.236を制限酵素

Xho I で部分消火し、 BSF 2 レセプターをコードする塩基配列をすべて含有する D N A 断片を得、これを市販のベクター piBi76 (IBi社) の Sal 1 部位に挿入してプラスミドpiBiBSF2R を作製した。このプラスミドpiBiBSF2R を含有する大腸菌HB101-piBiBSF2R は、工業技術院微生物工業技術研究所に微工研条寄第2232号(FERM BP-2232)として寄託されている。このプラスミドから、常法に従って寄託されている。このプラスミドから、常法に従って適当な制限酵素により BSF 2 レセプター蛋白質をコードする D N A 断片を切り出し、本発明で用いるプローブを作製することができる。このようにして単難された1つのクローンをラ

このようにして単離された1つのクローンをラムダP1(lambda P1) と名付けた、第1図にラムダP1の制限酵母地図および対応するIL-6レセプター蛋白質の模式図を示す。しかしながら、ラムダP1のインサートcDNAの塩基配列を決定した結果、ヒトIL-6レセプターとの比較より、完全長のマウスIL-6レセプターがコードされていないことが判明した。

そこで、完全長のマウス「Lー6レセプター

cDNAを単離する目的で、上記方法でBALB/c の脾臓からmRNAを抽出し、gt10を用いてcDNA ライブラリーを作製した。プローブとして図1のプローブを用い、通常の方法でスクリーニングした結果、1つのクローン、ラムダ301(lambda301)を単離した、ラムダ301 のインサートcDNAの塩基配列を決定した結果、ヒトILー6レセプターとの比較より、完全長のマウスILー6レセプターがコードされていることが判明した。ヒトILー6レセプターとマウスILー6レセプターの相同性は、DNAレベルで69%、アミノ酸レベルで54%であった。

またラムダP1とラムダ301のそれぞれコードするマウスILー6レセプターCDNA塩基配列を比較したところ、第1番目のメチオニンから第385番目のロイシンまでをコードするDNA配列は一致したが、それ以降のアミノ酸をコードするDNA配列は全く異なっていた。さらに詳細な塩基配列の解析を行ったところ、ラムダP1の第386番目以降のアミノ酸をコードするDNA配列は、

intracysternal A-particle(IAP) 遺伝子由来であることが判明した。

第1図に、ラムダ301 の制限酵素地図および対応するIL-6 レセプター蛋白質の模式図を示す。第2図に、ラムダ301 のインサートcDNAの塩基配列および塩基配列から推定されるマウスIL-6 レセプターのアミノ酸配列を示す。

 実施例2.
 マウスIL-6レセプター遺伝子導入

 によるマウスIL-6レセプター蛋白質の発現

田賀らにより、ヒトIL-6レセプターの細胞外領域が、IL-6との結合およびシグナルの伝達に必須で、細胞内領域はこれらの目的には不要であることが示された(Cell, 58, p573, 1989 年参照)。

単離したラムダ301 のインサートcDNAが、マウスIL-6レセプターのcDNAであること、および、マウスIL-6レセプター蛋白質の細胞外領域のみがIL-6との結合およびシグナルの伝達に必須であることを示す目的で、ラムダP1のインサ

ートcDNA (細胞外領域をコードするDNAはラムダ301 と一致するが、膜貫通領域および細胞内領域はラムダ301 と異なる。)、あるいはラムダ301のインサートcDNAを細胞に導入し、マウスILー6レセプターを細胞膜上に発現させ、ILー6によるシグナル伝達を調べた。

まず、アミノ酸コード領域を完全に含むラムダP1のEcoRi-EcoRi 断片、およびラムダ301 のEcoRi-Kpn1断片をそれぞれ、ネオマインシ耐性遺伝子を含む動物細胞発現ベクター、pM5G(C. Lakerら、Proc. natn. Acad. Sci. U. S. A., 84. p8459, 1987年参照)に組み込んだ。次に、10%牛血清、50 units/mlペニシリン、50m/mlストレプトマイシン、2mMグルタミン、50mM2ーメルカプトエタノール、10units/mlヒトILー6を含むRPMI1640培地で培養したヒトILー6依存性ヒトT細胞株、KTー3(S. Shimizuら、Blood 72, p1826, 1988年参照)に、通常のエレクトロポーレーション法で、作製したベクターをそれぞれ導入した。750m/mlのG418(シグマ社)を含む上記組成の

プターはヒトILー6レセプターと同様に、細胞外領域がILー6との結合およびシグナルの伝達に重要であり、細胞内領域は他の配列に置き換えられることを示す。

〔発明の効果〕

4. 図面の簡単な説明

第1図は、ラムダP1およびラムダ301 の制限 酵素地図および対応するIL-6 レセプター蛋白 培地でスクリーニングを行い、最終的に、2種類 の形質転換細胞を得た。

and the second of the second o

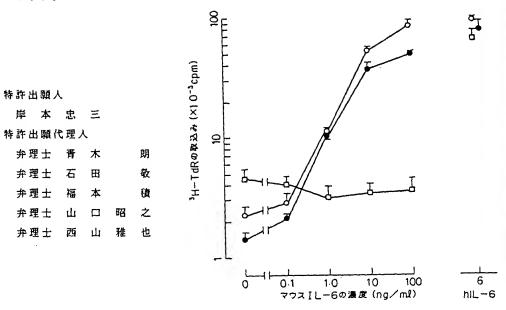
この形質転換細胞 2.5×10³ を種々の濃度のマウス・リコンピナント I L - 6 あるいは 6 ng/ml のヒト・リコンピナント I L - 6 存在下で66時間 培養した。最後の 6 時間は、 0.5 μCiのトリチウム標識チミジンでパルスし、細胞への取り込みをシンチレーションカウンター(ペックマン社)で 測定した。

第3図から明らかなように、ラムダP1由来のでは、ラムダ301由来のでは、ラムダ301由来のマウス「Lー6レセプターが発現している細胞はマウス・リコンが発現しているな存的に増殖する。一・リコンは、でしたでではないにないに、3種反に大いないがであり、1Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レセプターのCDNAであり、マウス「Lー6レー

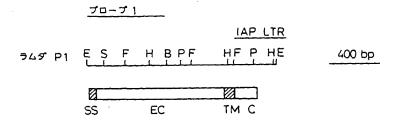
質の模式図、さらにはプローブ1の位置を示す。 BはBamHI サイト、EはEcoRI サイト、FはFoKI サイト、HはHind II サイト、KはKpnI サイト、P はPst! サイト、SはSmaI サイトをそれぞれ示す。 また、S S はシグナル配列、E C は細胞外領域、 T M は膜貫通領域、C は細胞内領域を示す。

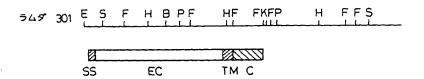
第2図は、ラムダ301のインサートcDNA、すなわちマウスILー6レセプターをコードするDNA配列についてその塩基配列を解析した結果、およびこのDNA配列が発現された場合に生産される蛋白質すなわちマウスILー6レセプターの推定されるアミノ酸配列を示す。下線部分はN末端側の疎水性アミノ酸領域を示し、二重下線部分はC末端側の疎水性アミノ酸領域を示す。

第3図は、ラムダP1由来のマウスIL-6レセプター発現KT-3(○)、ラムダ301 由来マウスIL-6レセプター発現KT-3(●)、正常のKT-3(□)の、種々の濃度のマウス・リコンピナントIL-6存在下でのトリチウム標識



第3図





第1図

€

 \mathbb{Z}

紙

GIU Phe Thr Val Leu Leu Leu Pro Val Aia GIn Tyr Gin Cys Val 11e His Asp Ala Leu	Het Leu Thr Vai Gly Cys Thr Leu Leu Vai Aia Leu Leu Aia Aia Pro Aia Vai Aia Leu
GAG TTC ACG GIG TIG CTG CTC CCG GTG GCC CAG TAC CAT TGC GTC ATC CAT GAT GCC TIG	Aig Cig Acc Gic Ggc 16c Acg Cig 176 Gfc Ggc Cig Cig Gcc Gcc Gcc Gcc Ggc Gfc Gcc Cig
Arg Gly Val lys His Val Val Gln Val Arg Gly Lys Glu Glu Leu Asp Leu Gly Gln Trp	Val leu Gly Ser Cys Arg Ala leu Glu Val Ala Asn Gly Thr Val Thr Ser leu Pro Gly
CGA GGA GTG AAG CAC GTG GTC CAG GTC CGT GGG AAG GAG CAG CTT GAC CTT GGC CAG TGG	GTC CTC GGG AGC TGC CGC GCG CTG GAG GTG GCA AAT GGC ACA GTG ACA AGC CTG CCA GGG
Ser Glu Irp Ser Pro Glu Val Thr Gly Thr Pro Trp lle Ala Glu Pro Arg Thr Thr Pro	AIA Thr Vai Thr Leu lle Cys Pro Gly Lys Glu Ala Ala Gly Asn Val Thr lle His Trp
Agt gaa tgg tcc cca gag gtc acg ggc act cct tgg ata gca gag ccc agg acc acc cc	GCC ACC GTI ACC CTG ATI TGC CCC GGG AAG GAA GCA GGC AAT GTI ACC ATI CAC TGG
Ala Giy ile Leu Trp Asn Pro Thr Gin Val Ser Val Giu Asp Ser Ala Asn His Giu Asp Gca Gga Atc Ctc TGG AAC CCC ACA CAG GTC TCT GTT GAA GAC TCT GCC AAC CAC GAG GAT	Tyr Ser Gly Ser Gln Asn Arg Glu Trp Thr Thr Gly Asn Thr Leu val Leu
Gin Tyr Giu Ser Ser Thr Giu Aia Thr Ser Vai Leu Aia Pro Vai Gin Giu <u>Ser Ser Ser</u> Cag Tac Gaa Agī Tcī aca Gaa Gca acg agī Gīc Cīc Gcc Cca Gīg Caa Gaa <mark>Tcč Tcg Tcc</mark>	TAC TCT GGC TCA CAA AAC AGA GAA TGG ACT ACC ACA GGA AAC ACA CTG GTT CTG
Het Ser leu Pro Thr Phe leu Val Ala Gly Gly Ser leu Ala Phe Gly leu leu Leu Cys.	ASP VAI GIN CEU SEC ASP INT GLY ASP LYF LEU CYS SET LEU ASP AIS LEU VAI GLY
Aig TCC Cig CCC ACA TIC Cig Gla GCI GGA GGA AGC 71G GCG 177 GGG 176 CTT CIC TGT	GAC GIG CAG CTC AGC GAC ACT GGG GAC TAT TTA TGC TCC CTG AAT GAT CAC CTG GTG GGG
<u>Val Phe lie lie ieu</u> ang leu lys Gin lys Trp Lys Ser Giu Aia Giu lys Giu Ser Lys	Thr Val Pro Leu Leu Val Asp Val Pro Pro Glu Glu Pro Lys Leu Ser Cys Phe Arg Lys
GTC TTC AIC ATC CTG aga cTC aag cag aaa Tgg aag TCa Gag GCT Gag aag Gaa agg aag	ACT GTG CCC TTG CTG GTG GAT GTT CCC CCA GAG GAG CCC AAG CTC TCC TGC TTC CGG AAG
Thr Thr Ser Pro Pro Pro Pro Tyr Ser leu Gly Pro leu lys Pro Thr Phe leu leu	Asn Pro Leu Val Asn Ala IIe Cys Giu Trp Arg Pro Ser Ser Thr Pro Ser Pro Thr Thr
acg acc tct cca ccc cca ccg Tat Tcc Tig GGC Cca cig aag ccg acc Tic cii cig	AAC CCC CTI GTC AAC GCC ATC 1GT GAG TGG CGI CCG AGC AGC ACC CCC TCT CCA ACC ACG
Val Pro Leu Leu Thr Pro His Ser Ser Gly Ser Asp Asn Thr Val Asn His Ser Cys Leu	lys Aia Vai Leu Phe Aia lys lys Iie Asn Thr Thr Asn Gly lys Ser Asp Phe Gin Vai
GTI CCT CTC ACC CCA CAC AGC TCT GGG TCT GAC AAT ACC GTA AAC CAC AGC TGC CTG	AAG GCT GTG TTT GCA AAG AAA ATC AAC ACC ACC AAC GGG AAG AGT GAC TTC CAG GTG
Giy Vai Arg Asp Ala Gin Ser Pro Tyr Asp Asn Ser Asn Arg Asp Tyr Leu Phe Pro Arg	Pro Cys Gin Tyr Ser Gin Gin teu tys Ser Phe Ser Cys Gin Vai Giu lle teu Giu Giy
GGI GIC AGG GAC GCA CAG AGC CCI TAI GAC AAC AGC AAG AGA GAC TAC TIA TIC CCC AGA	CCC TGC CAG TAT TCT CAG CAG CTG AAA AGC TTC TCC TGC CAG GTG GAG ATC CTG GAG GGT
TAATCATCTGGATGGTACCTGGCAGGCCACCACGAGATCACCACAAGTTTCTCATGCGGGTCCATCCA	ASD LYS VAI TYF HIS 11e VAI SEF LEU CYS VAI AIA ASN SEF VAI GIY SEF LYS SEF SEF GAC AAA GTA TAC CAC ATA GTG TCA CTG TGC GTT GCA AGC AGT GTG GGA AGC AAG TCC AGC
CTITICCBAGGCCACTRAGGCGGGGTGGAACCTTGGTTCCANTTCCTTCTRACATCTGGAAAGCAGTGGGCCCGGTGG TGGTGACTATATCTCAGGCCCTGATGGTTTACGCGAGTGACANTTCTCACAACCAGCTTTTAAATGTGAATGAAGCACC CCAGGCACTGCTGGCTGCGGAGGCTTCATTTTCCTCTTCGATCTCAGGACTTCAGGAAAGCGGAAAGCGGAAGCGGAAGCGGAGTGGAAGTAGAA	His Asn Glu Ala Phe His Ser Leu Lys Het Val Gln Pro Asp Pro Pro Ala Asn Leu Val CAC AAC GAA GCG TIT CAC AGC TIA AAA ATG GTG CAG CCG GAT CCA CCT GCC AAC CTT GTG
AGGAGGGGAIGA IGGIGGGG ICCLICI I ICRGGGGGGGAAAAA GAAAAA I HACUCAALCI IGCCAAI ICIDAI I I IDA ACTGGGCTGGACTAGGAAATGCGCATTTATGCAAAAGAAAAAAAA	Vai Ser Ala Ile Pro Gly Arg Pro Arg Irp Leu Lys Vai Ser Irp Gln His Pro Glu Ihr GTA TCA GCC ATA CCT GGA AGG CCG CGC TGG CTC AAA GTC AGC TGG CAG CAC CCT GAG ACC
AGANGARARARARARARARARARARARARARARARARARA	Trp Asp Pro Ser Iyr Iyr leu leu Gin Phe Gin Leu Arg Iyr Arg Pro Val Trp Ser Lys TGG GAC CCG AGT TAC TAC TIG CTG CAG TTC CAG CTT CGA TAC CGA CCT GTA TGG TCA AAG
	4